

FILOGEOGRAFÍA Y VARIABILIDAD GENÉTICA ENTRE POBLACIONES DE *Lama guanicoe* (ARTIODACTYLA : CAMELIDAE), BASADO EN LAS SECUENCIAS DE DOS GENES MITOCONDRIALES. (Phylogeographic and variability between populations of *Lama guanicoe* (ARTIODACTYLA : CAMELIDAE), based on sequences of two mitochondrial genes) Marín, J.C.¹; Gonzalez, B.²; Bonacic, C.²; Wheeler, J.³; Spotorno, A.¹ y Palma, R.E.⁴ ¹Facultad de Medicina, U. de Chile; ²Facultad de Agronomía, P. Universidad Católica de Chile; ³CONOPA; ⁴Facultad de Ciencias Biológicas, P. Universidad Católica de Chile.

El guanaco es el artiodáctilo silvestre más grande de Sudamérica, con una amplia distribución. Basados en sutiles diferencias morfológicas y su distribución geográfica, se reconocen 4 subespecies : *Lama guanicoe cacsilensis*, que habita el sur del Perú y norte de Chile entre 8° y 20° S; *L. g. huanacus* ocurre en Chile Central entre 22° y 28° S; *L. g. guanicoe* desde 32° S de la Patagonia de Chile, Argentina y Tierra del Fuego y *L. g. voglii* en el flanco oriental de los Andes en la Pampa Argentina y el Chaco de Bolivia y Paraguay entre 21° y 32° S.

Las secuencias completa del gen para citocromo b y la fracción hipervariable I de la Región Control (410 pb) fueron analizadas filogenética y poblacionalmente.

Considerando 22 localidades y todo el rango de distribución de la especie, se observó un reducido número de cambios y aunque todas las poblaciones constituyeron un grupo monofilético, no fue posible establecer ningún patrón biogeográfico, poniendo en duda la existencia de diferenciación intraespecífica.

Beca de Apoyo a Tesis Doctoral, CONICYT y Proyecto MACS de la Unión Europea (ICA4 2000-10229)